

KP43	1:NDVARGIVKADVAGSSYGLICGCGQIVAVADTGLDTRGNDSSMHEAFRGKITALYALGRTNANDTNGHGTTHVAGSVLGNSTNKGMAFQA	90
KP9860	1:NDVARGIVKADVAGSSYGLICGCGQIVAVADTGLDTRGNDSSMHEAFRGKITALYALGRTNANDTNGHGTTHVAGSVLGNSTNKGMAFQA	90
KP9865	1:NDVARGIVKADVAGSSYGLICGCGQIVAVADTGLDTRGNDSSMHEAFRGKITALYALGRTNANDTNGHGTTHVAGSVLGNSTNKGMAFQA	90
E-1	1:NDVARGIVKADVAGNNYGLICGCGQIVAVADTGLDTRGNDSSMHEAFRGKITALYALGRTNANDPNGHGTTHVAGSVLGNALNKG-MAFQA	89
Ya	1:NDVARGIVKADVAGNNYGLICGCGQIVAVADTGLDTRGNDSSMHEAFRGKITALYALGRTNANDPNGHGTTHVAGSVLGNALNKG-MAFQA	89
SD-521	1:NDVARGIVKADVAGNNYGLICGCGQIVAVADTGLDTRGNDSSMHEAFRGKITALYALGRTNANDPNGHGTTHVAGSVLGNALNKG-MAFQA	89
A-1	1:NDVARGIVKADVAGSSYGLICGCGQIVAVADTGLDTRGNDSSMHEAFRGKITALYALGRTNANDPNGHGTTHVAGSVLGNSTNKGMAFQA	90
A-2	1:NDVARGIVKADVAGNNFGLICGCGQIVAVADTGLDTRGNDSSMHEAFRGKITALYALGRTNANDPNGHGTTHVAGSVLGNATNK-GMAFQA	89

KP43	91:NLVFQSDIDSSGCLGGLPSNLQTLFSGAQASAGARIHTNSWGAAVNGAYTTDSRVDDYVRNNDMTILFAAGNEGPNCGGTISAPGTAKNAI	180
KP9860	91:NLVFQSDIDSSGCLGGLPSNLQTLFSGAQASAGARIHTNSWGAAVNGAYTTDSRVDDYVRNNDMTILFAAGNEGPNCGGTISAPGTAKNAI	180
KP9865	91:NLVFQSDIDSSGCLGGLPSNLQTLFSGAQASAGARIHTNSWGAAVNGAYTTDSRVDDYVRNNDMTILFAAGNEGPNCGGTISAPGTAKNAI	180
E-1	90:NLVFQSDIDSSGCLGGLPSNLQTLFSGQAWNAGARIHTNSWGAAPVNGAYTANSRQVDEYVRNNDMTVLFAAGNEGPNCGGTISAPGTAKNAI	179
Ya	90:NLVFQSDIDSSGCLGGLPSNLQTLFSGQAWNAGARIHTNSWGAAPVNGAYTANSRQVDEYVRNNDMTVLFAAGNEGPNCGGTISAPGTAKNAI	179
SD-521	90:NLVFQSDIDSSGCLGGLPSNLQTLFSGQAWNAGARIHTNSWGAAPVNGAYTANSRQVDEYVRNNDMTVLFAAGNEGPNCGGTISAPGTAKNAI	179
A-1	91:NLVFQSVMDSSGCLGGLPSNBTLFSGAQASAGARIHTNSWGAAPVNGAYTTDSRVDDYVRNNDMTILFAAGNEGPNCGGTISAPGTAKNAI	180
A-2	90:NLVFQSDIDSSGCLGGLPSNLQTLFSGAQASAGARIHTNSWGAAPVNGAYTTDSRVDDYVRNNDMTILFAAGNEGPNCGGTISAPGTAKNAI	179

KP43	181:TVGATENLRPSFGSIADNNHVAQFSSRGPTKDGRIKPDVMAPGTIFILSARSSLAPDSSFWANEDSKYATMGCTSMATPIVAGNVAQLRE	270
KP9860	181:TVGATENLRPSFGSIADNNHVAQFSSRGPTKDGRIKPDVMAPGTIFILSARSSLAPDSSFWANEDSKYATMGCTSMATPIVAGNVAQLRE	270
KP9865	181:TVGATENLRPSFGSIADNNHVAQFSSRGPTKDGRIKPDVMAPGTIFILSARSSLAPDSSFWANEDSKYATMGCTSMATPIVAGNVAQLRE	270
E-1	180:TVGATENLRPSFGSIADNNHVAQFSSRGATRDGRIKPDVTAAGTIFILSARSSLAPDSSFWANYSKYATMGCTSMATPIVAGNVAQLRE	269
Ya	180:TVGATENLRPSFGSIADNNHVAQFSSRGATRDGRIKPDVTAAGTIFILSARSSLAPDSSFWANYSKYATMGCTSMATPIVAGNVAQLRE	269
SD-521	180:TVGATENLRPSFGSIADNNHVAQFSSRGATRDGRIKPDVTAAGTIFILSARSSLAPDSSFWANYSKYATMGCTSMATPIVAGNVAQLRE	269
A-1	181:TVGATENLRPSFGSIADNNHVAQFSSRGPTKDGRIKPDVMAPGTIFILSARSSLAPDSSFWANEDSKYATMGCTSMATPIVAGNVAQLRE	270
A-2	180:TVGATENLRPSFGSIADNNHVAQFSSRGPTKDGRIKPDVMAPGTIFILSARSSLAPDSSFWANEDSKYATMGCTSMATPIVAGNVAQLRE	269

KP43	271:HFVKNRGITPKPSLLKAALLAGAADIICGLYPNGNCQWGRVTLDKSLNVAVFNESSSLSTSQKATYSFTATAGKFLKISLVWSDAPASTTA	360
KP9860	271:HFVKNRGITPKPSLLKAALLAGAADIICGLYPNGNCQWGRVTLDKSLNVAVFNESSSLSTSQKATYSFTATAGKFLKISLVWSDAPASTTA	360
KP9865	271:HFVKNRGITPKPSLLKAALLAGAADIICGLYPNGNCQWGRVTLDKSLNVAVFNESSSLSTSQKATYSFTATAGKFLKISLVWSDAPASTTA	360
E-1	270:HFVKNRGITPKPSLLKAALLAGATDVGLCYPSGDCQWGRVTLDKSLNVAVFNESSSLSTSQKATYSFTATAGKFLKISLVWSDAPASTTA	359
Ya	270:HFVKNRGITPKPSLLKAALLAGATDVGLCYPSGDCQWGRVTLDKSLNVAVFNESSSLSTSQKATYSFTATAGKFLKISLVWSDAPASTTA	359
SD-521	270:HFVKNRGITPKPSLLKAALLAGATDVGLCYPSGDCQWGRVTLDKSLNVAVFNESSSLSTSQKATYSFTATAGKFLKISLVWSDAPASTTA	359
A-1	271:HFVKNRGITPKPSLLKAALLAGATDIICGLYPSGNCQWGRVTLDKSLNVAVFNESSSLSTSQKATYSFTAQACKFLKISLVWSDAPASTTA	360
A-2	270:HFVKNRGITPKPSLLKAALLAGAADVGLGFPNGNCQWGRVTLDKSLNVAVFNESSSLSTSQKATYSFTAQACKFLKISLVWSDAPASTTA	359

KP43	361:SVTLVNDLDLVIITAPNGTKYVGNDFTSFYDNNNDGRNNVENVFINAPQSGCTTIEVQAINVVPQGPOTFSLAIVN	434
KP9860	361:SVTLVNDLDLVIITAPNGTKYVGNDFTSFYDNNNDGRNNVENVFINAPQSGCTTIEVQAINVVPQGPOTFSLAIVN	434
KP9865	361:SVTLVNDLDLVIITAPNGTKYVGNDFTSFYDNNNDGRNNVENVFINAPQSGCTTIEVQAINVVPQGPOTFSLAIVN	434
E-1	360:SYTLVNDLDLVIITAPNGQKYVGNDFTSFYDNNNDGRNNVENVFINAPQSGCTTIEVQAINVVPQGPOTFSLAIVN	433
Ya	360:SYTLVNDLDLVIITAPNGQKYVGNDFTSFYDNNNDGRNNVENVFINAPQSGCTTIEVQAINVVPQGPOTFSLAIVN	433
SD-521	360:SYTLVNDLDLVIITAPNGQKYVGNDFTSFYDNNNDGRNNVENVFINAPQSGCTTIEVQAINVVPQGPOTFSLAIVN	433
A-1	361:SVTLVNDLDLVIITAPNGTKYVGNDFTSFYDNNNDGRNNVENVFINAPQSGCTTIEVQAINVVPQGPOTFSLAIVN	434
A-2	360:SLTLVNDLDLVIITAPNGTKYVGNDFTSFYDNNNDGRNNVENVFINAPQSGCTTIEVQAINVVPQGPOTFSLAIVN	433
